

Genome and epigenome enabled breeding in terrestrial livestock

R for Population Genetics and Animal Breeding

RPopGenetics_BLUP



27-30 Maio, 2024



14:00



Sala 139, CLAV, UÉ



English

Este curso tem como objetivo fornecer uma introdução concisa à realização de análises aplicadas de dados genéticos populacionais em R usando como exemplos populações de animais domésticos e de espécies objeto de programas de conservação. O R fornece uma ferramenta com os seus pacotes que permite a análise da maioria dos dados de forma conveniente e em todas as principais plataformas Microsoft Windows, Linux e OS X da Apple. O R é uma linguagem de programação estatística e gráfica de código aberto que inclui ferramentas para análises estatísticas, de genética populacional, genómica, filogenética e genómica comparativa. Espera-se que os participantes tenham uma compreensão básica da teoria e das aplicações da genética populacional. Finalmente, este curso basear-se-á na genética populacional tradicional baseada em frequências alélicas, estabelecendo as bases para o desenvolvimento e aplicação da seleção genética.

Local e Horário

Sala 139 do Colégio Luis António Verney - Curso presencial, duração: 20 h.

27 Maio: 14-17h : 3h

28 Maio: 9-12h e 14-17h: 6h

29 Maio: 9-12h e 14-18h: 7h

30 Maio: 9h-12h

Inscrição:

link: <https://sge.uevora.pt/eventos/ver/1094>

Valor da inscrição:

gratuito para estudantes de doutoramento e investigadores juniores da Universidade de Évora, Técnicos de Associações/Profissionais do sector e parceiros do projeto GeroNIMO

25 € para estudantes de doutoramento e investigadores de outras universidades

Programa detalhado do curso e outras informações:

https://github.com/andreiaamaral/RPopGenetics_BLUP/

Organiser Contact

Andreia J. Amaral: andreia.fonseca@uevora.pt

UÉvora Contact

tlf: +351 266 740 800

Project website

www.geronimo-h2020.eu | info@geronimo-h2020.eu

Organization acknowledges

GEroNIMO (reference 101000236) funded by the H2020 program and Erasmus +